TP Bioinformatique 1 : Alignement « *in stylo* » de deux séquences d'ADN

Aligner les séquences ATTACTGGTATGC et TTACT GGTATGC

Matrice : identique = +1 ; différent = -1

Pénalité d'ouverture de gap = -1 ; Extention de gap = -1

	A	T	T	A	C	T	G	G	T	A	T	G	C
T													
T													
A													
G													
C													
T													
T													
A													
T													
G													
C													
T													